

## REFERAT FRA MØTE I FAGRÅDET FOR NORM

21. OKTOBER 2021

### Digitalt møte på Teams

Til stede: Aasmund Fostervold (SUS, NFMM), Heidi Cecilie Villmones (SIV), Brian Guennigsman (UNN, NITO), Kjersti Wik Larssen (St. Olavs Hospital), Jon Birger Haug (SØF, NFIM), Didrik Vestrheim (FHI) (deler av møtet), Anne-Sofie Furberg (NORM), Gunnar Skov Simonsen (NORM, ref.),

Forfall: Linda Rui (NFA)

Sak 09 / 21 Godkjenning av referat, innkalling og saksliste  
Referat, innkalling og saksliste godkjent.

Sak 10 / 21 Oppsummering av NORM/NORM-VET 2020

Rapporten NORM/NORM-VET 2020 ble sendt ut som planlagt medio september 2021 til tross for at mange bidragsyttere har vært involvert i pandemiarbeid. Som i 2020 ble utsendelsen fulgt av en podcast i samarbeid med NORM-VET i regi av Folkehelseinstituttet og Veterinærinstituttet. Følgende konkrete forbedringspunkter ble diskutert:

- Det er fortsatt ønskelig å få presentert fordeling mellom isolater fra kolonisering og infeksjoner for de mest resistente fenotypene (spesielt karbapenemaseproduserende *Enterobacterales*). Dette er tidligere foreslått for referanselaboratoriet på K-res, men er ikke fulgt opp i årets rapport. NORM sentralt vil ta opp saken igjen.
- Det foreslås at man i presentasjonen av resistensdata for pneumokokker skal presisere at I-kategorien for penicillin G representerer resistens mot penicillin V.
- For mange mikrober er det økende fokus på resultater fra fullgenomsekvensering, men slike data er svært komplekse og presentasjonen kan være vanskelig tilgjengelig for de som ikke har spesialkompetanse på området. Dette gjelder ikke minst tolkningen av figurer med fylogenetiske analyser. Det foreslås at man i metodedelen skal legge inn en tekst (1-2 sider) som gir en kort innføring slik at leserne får hjelp til å forstå rapporten bedre. NORM sentralt følger opp forslaget.

Sak 11 / 21 Status for overvåkingsopplegget i NORM 2021

Overvåkingsprogrammet for 2021 ble lagt på et minimumsnivå av hensyn til den totale belastningen for de mikrobiologiske laboratoriene under pandemien. Dette har blitt godt mottatt, og det har ikke framkommet spesielle problemer med gjennomføringen av årets program.

Sak 12 / 21 Status for NORM-atlas

Det har vært langvarige utfordringer med å laste opp og vedlikeholde driften av den nettbaserte presentasjonen av NORM-data på [www.NORM-atlas.no](http://www.NORM-atlas.no). Dette skyldes dels interne forhold i NORM sentralt, dels skifte til ny leverandør av netjtjenester. Gjennom det siste halvåret er det investert tid og ressurser i å komme a jour med NORM-atlas med opplasting av data for 2019 og 2020, og oppgradering av presentasjonen i samsvar med nye resistens kategorier fra EUCAST. I praksis vil nettsiden få et enklere innhold der man kun viser andelen resistente isolater (R) ettersom I betraktes som en underkategori av S med krav til økt eksponering. Det tas sikte på at NORM-atlas skal være på nett i ny versjon før jul 2021.

Sak 13 / 21 Søknader om tildeling av forskningsmidler fra NORM 2021

NORM hadde innenfor søknadsfristen mottatt i alt 10 søknader med et samlet søknadsbeløp på NOK 530 000,-. Fagrådet hadde i forkant av møtet gjennomgått søknadene og satt opp en rangering ut fra kvalitet og relevans. To søknader ble kategorisert som meget støtteverdige, seks søknader ble vurdert som klart støtteverdige, én søknad ble funnet mindre støtteverdige, og den siste søknaden ble vurdert som ikke støtteverdige. NORM sentralt vil mot slutten av året bruke rangeringen til fordeling av disponible midler.

Det ble i møtet også gitt en kort oppdatering om hvordan NORM har fulgt opp tidligere tildelinger der det enten har vært mangelfull rapportering eller manglende framdrift i prosjektene.

Sak 14 / 21 Webinarer om AMR 16, 17 og 18 november 2021

Som en følge av koronapandemien er årets konferanse på Gardermoen avlyst, men arrangørene tilbyr tre lunsjseminarer i antibiotikauka 16, 17 og 18 november. Programmet med tilhørende lenker er distribuert til alle deltagerne i NORM. For mange i laboratoriene vil webinarer 17 november med fokus på blodkulturdiagnostikk og framtidig overvåking av blodbaneinfeksjoner sannsynligvis være av spesiell interesse.

#### Sak 15 / 21 Overvåkingsopplegget for 2022

Overvåkingsopplegget for 2022 ble diskutert, og i likhet med i 2021 må man regne med en betydelig belastning av deltagerlaboratoriene som følge av pandemien. Det er derfor enighet om å opprettholde sentrale dataserier i NORM, men å unngå altfor omfattende overvåkingsopplegg ut over dette.

- Fagrådet anbefaler fortsatt overvåking av de «faste» blodkulturmikrobene på deltagerlaboratoriene (*E. coli*, *Klebsiella* spp., *Enterococcus* spp. og *Staphylococcus aureus*).
- All overvåking basert på referansefunksjoner fortsetter som tidligere (systemiske isolater av *Streptococcus pneumoniae*, *Streptococcus pyogenes*, *Streptococcus agalactiae*, *Haemophilus influenzae*, *Neisseria meningitidis* og *Candida* spp.; de tarmpatogene bakteriene *Salmonella* spp., *Shigella* spp., *Campylobacter* spp. og *Yersinia enterocolitica*; samt *Neisseria gonorrhoeae* og *Mycobacterium tuberculosis*).
- Blant ikke-systemiske isolater kontinueres overvåkingen av *Staphylococcus aureus* fra sår (1 uke), samt *E. coli* (3 dager) og *Klebsiella* spp. (3 uker) fra urin.
- Som særskilte overvåkingsopplegg for 2022 anbefales *Haemophilus influenzae* i luftveisprøver (3 uker) og såkalte AmpC-mikrober (*Enterobacter* spp., *Serratia* spp. og *Citrobacter* spp.) i henholdsvis blod (12 mnd) og urin (3 uker).

Da det tradisjonelle deltagermøtet for NORM-laboratoriene utgår (konf. sak 14 / 21 ovenfor) vil NORM sentralt sende forslaget ut på høring via e-mail.

#### Sak 16 / 21 Refusjon til laboratoriene for 2021

Det legges ikke opp til noen endring av refusjonsordningen for deltagerne i NORM for 2021. Fagrådet gir sin tilslutning til dette.

#### Sak 17 / 21 Eventuelt

Det ble avtalt at Fagrådets møte våren 2022 skal avholdes torsdag 17. mars. NORM sentralt vil planlegge for et fysisk møte med sosialt arrangement og eventuelt gjennomgang av forskningsrapportering onsdag 16. mars.

Tromsø 08.11.2021